

辛春明,何明珠,李承义,等.荒漠土壤氧化亚氮排放及其驱动因素研究进展[J].中国沙漠,2023,43(2):184-194.

荒漠土壤氧化亚氮排放及其驱动因素研究进展

辛春明^{1,2}, 何明珠¹, 李承义^{1,2}, 张力斌^{1,2}, 李新荣¹

(1.中国科学院西北生态环境资源研究院 沙坡头沙漠研究试验站,甘肃 兰州 730000; 2.中国科学院大学,北京 100049)

摘要: 氧化亚氮(N_2O)具有寿命长、增温潜势高且对臭氧层破坏性大等特点,陆地生态系统是其产生的主要来源。温度升高、降水变化以及由此引起的土壤中多种生物过程的变化,会促进或抑制 N_2O 排放,进而对环境产生深远影响。基于此,本文回顾和总结了有关国内外荒漠区土壤 N_2O 排放的研究进展,分析了荒漠土壤 N_2O 的产生-排放过程及排放通量,并详细综述了环境因子、土壤生物和非生物因素对荒漠土壤 N_2O 排放的影响机制。结果表明:荒漠土壤 N_2O 排放由硝化作用和反硝化作用主导,且具有明显的季节特征,具体表现为生长季排放量高,非生长季排放量低甚至为负。在总结已有研究的基础上,展望了荒漠区土壤 N_2O 排放的研究方向及亟待解决的问题:(1)基于同位素示踪技术及分子生物学技术探究微生物及相关功能基因对荒漠土壤 N_2O 产生和消耗的影响;(2)探究不同时间尺度(日、月、季节以及年际)多因素交互作用下荒漠土壤 N_2O 排放规律;(3)完善荒漠生态系统 N_2O 排放模型,并评估其对环境变化的影响。

关键词: 荒漠生态系统; 气候变化; 硝化/反硝化作用; 排放通量; 功能基因

文章编号: 1000-694X(2023)02-184-11

DOI: 10.7522/j.issn.1000-694X.2022.00082

中图分类号: X37

文献标志码: A

0 引言

氧化亚氮(N_2O)是大气中除二氧化碳(CO_2)和甲烷(CH_4)外的另一种重要的温室气体,其单分子增温潜势约为 CO_2 的300倍^[1]。有别于其他温室气体的是, N_2O 还能通过在平流层中发生一系列复杂的化学反应加剧臭氧层的破坏,导致地面紫外辐射增强并威胁人类的健康与生存^[2-4]。目前,受人类活动和气候变化的影响,高温、干旱和极端降雨等事件导致土壤频繁地经历干旱和再湿润过程^[5],频繁的干湿交替会改变土壤水分及养分的可利用性和理化性质,进而影响土壤氮循环过程和温室气体的排放^[6-7]。同时,化石燃料、资源过度利用等因素导致全球地表温度升高^[8],而荒漠区的地表温度据预测将增加更多^[9]。因此,降水变化和气候变暖均会直接或间接影响荒漠土壤 N_2O 排放过程。

荒漠生态系统植被稀疏且养分匮乏,气候条件

表现为气温高、降水少且蒸发量大等。荒漠土壤中各种生物过程直接或间接地受降水驱动。荒漠区面积广袤,即使土壤环境对气候变化的微弱响应,也会引起温室气体排放量的显著变化。因此,揭示荒漠土壤 N_2O 排放机制是荒漠生态系统研究的热点,目前的研究集中于土壤 N_2O 排放对气候变化、氮添加和放牧的响应,且多从土壤性质和微生物角度解释土壤 N_2O 排放变化^[1]。除此之外,对土壤 N_2O 产生的硝化和反硝化作用过程开展了大量研究,同时对 N_2O 产生途径的硝酸盐异化还原为铵和非生物过程的研究也逐渐深入。随着分子生态学和同位素示踪理论和技术的发展,从土壤微生物功能基因的微观角度揭示了 N_2O 产生的微生物驱动机理,并量化了土壤氮循环过程对 N_2O 排放的影响及贡献,然而,目前相关技术在荒漠生态系统中的研究偏少。此外,目前 N_2O 排放时间尺度的研究多在几周

收稿日期:2022-06-02; 改回日期:2022-07-19

资助项目:中国科学院战略性先导科技专项(XDA2003010301);国家自然科学基金项目(41671103);宁夏回族自治区交通厅项目(WM-KY1)

作者简介:辛春明(1993—),男,河北广宗人,博士研究生,主要从事土壤氧化亚氮排放研究。E-mail: xin_chunming@163.com

通信作者:何明珠(E-mail: hzmecology@lzb.ac.cn)

到数月,长期研究(例如3年以上)的案例较少。由于缺乏对荒漠区土壤 N_2O 排放过程的深入系统研究,因此难以估算其对全球土壤 N_2O 排放的贡献,这为估算全球土壤 N_2O 排放总量及增温潜势带来了很大的不确定性。

荒漠土壤 N_2O 的排放通量和排放量在不同研究中差异较大^[10-11]。影响荒漠土壤 N_2O 排放的因素复杂,如降水导致土壤水分变化进而影响土壤中细菌和真菌的种类和活性,从而影响土壤中氮素的转化以及 N_2O 排放;气候变暖导致土壤温度的改变,通过影响微生物代谢活动和物质转换来影响 N_2O 排放^[3-4,12-13];土壤有机碳和有机氮分别通过影响微生物能量供应和氮矿化速率影响 N_2O 排放^[14-16];土壤质地和不同粒径土壤团聚体的养分供给、 O_2 含量以及通气条件等方面的差异,也会导致 N_2O 排放的波动^[10,17]。因此,亟待深入系统地开展荒漠生态系统土壤 N_2O 排放过程及其影响机理的研究,为准确估算其对全球变化提供数据支撑。

1 荒漠土壤 N_2O 产生过程及排放通量

1.1 N_2O 产生过程

N_2O 的排放来源有土壤、海洋和淡水湖泊,以及化石燃料燃烧等,其中土壤是 N_2O 的主要排放源,约占总排放量的60%^[18]。土壤排放 N_2O 的主要原因是其中含有大量微生物,微生物可通过一系列复杂的生物化学过程产生 N_2O ^[19],包括硝化作用(Nitrification)、反硝化作用(Denitrification)、硝酸盐异化还原成铵(Dissimilatory nitrate reduction to ammonium, DNRA)、硝化细菌反硝化作用(Nitrifier denitrification)。另外,土壤排放的 N_2O 也可能来自于非生物分解等过程^[20-22]。

土壤 N_2O 的产生过程主要有:①硝化作用,即在氨氧化细菌(AOB)和氨氧化古细菌(AOA)催化下将氨氧化成 NO_2^- 或 NO_3^- 的过程,此过程中生成副产物 N_2O ^[23];②硝化-反硝化作用,即将铵氧化成 NO_2^- ,然后直接转化为 NO ,逐步还原为 N_2 的过程^[24];③反硝化作用,即由异养细菌和古菌在厌氧环境下将硝酸盐和亚硝酸盐逐步还原成气态氮化合物的过程,最终产物为 NO 、 N_2O 或 N_2 ^[25];④硝酸盐异化还原为铵,即 NO_3^- 先被还原为 NO_2^- ,再进一步还原为铵的过程,此过程会产生 N_2O ^[25];⑤非生物过程,即由于 NO_2^- 和 NH_2OH 不稳定的化学性质,通过分解或化学

反应生成 N_2O ^[24,26]。上述 N_2O 产生途径中,硝化和反硝化作用产生的 N_2O 约占土壤释放总量的70%^[27]。

1.2 N_2O 排放通量

在全球范围内,荒漠区已经被确定为含氮气体重要的“源”^[28],究其原因,主要是发生自然降水后微生物代谢活性增强,促进了氮的快速周转^[29]。尽管荒漠区土壤中含有的营养物质(C、N)有限,但这种氮的快速周转依然使其成为重要的 N_2O 排放“源”。

在新疆古尔班通古特荒漠草原的研究表明,自然气候条件下 N_2O 排放通量(以N计量)较低(0~3.46 $\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$)^[30],同时,此研究中2月的 N_2O 通量为负值(-0.93 $\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$),表现为 N_2O 的净吸收,这主要与土壤冰冻或积雪覆盖期 N_2O 无法扩散至空气中,通过反硝化作用进一步还原为 N_2 有关^[30]。另一项在内蒙古半干旱温带草地的研究同样表明,自然气候条件下 N_2O 排放速率变化较大,有时表现为负值(-0.36~3.46 $\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$)^[31]。

1.3 N_2O 排放量及其季节变化

N_2O 排放量在不同研究中具有明显的差异性,如在古尔班通古特沙漠进行1年和连续3年的野外观测研究表明,土壤 N_2O 年排放量为0.13 $\text{kg}\cdot\text{hm}^{-2}$ ^[30,32]。然而,在腾格里沙漠东南缘的研究表明,生物土壤结皮(Biological soil crust, BSC)的 N_2O 年排放量为负值(平均为-1.44 $\text{kg}\cdot\text{hm}^{-2}$),表现为 N_2O 年吸收^[10],这可能主要与结皮性质有关,相对致密且渗水性低的生物结皮不利于 N_2O 向大气扩散,土壤微生物促使 N_2O 向 N_2 转化。不同研究中,土壤 N_2O 排放速率及排放量见表1^[10-11,33-43]。

荒漠土壤 N_2O 排放具有明显的季节动态。在中国北方荒漠草原为期1年的观测结果表明, N_2O 排放通量整体表现为春夏季节较高(最大值为14.79 $\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$),冬季排放量较低甚至为负(最低值为-0.93 $\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$)^[30],这主要是由于生长季土壤在多次降水脉冲后反复经历干湿循环过程,干旱阶段土壤微生物主要以硝化作用产生 N_2O ;短暂湿润阶段土壤微生物主要以反硝化作用产生 N_2O ,同时适宜的温度也有助于增加微生物活性,因此生长季荒漠土壤产生较多的 N_2O (占全年的43%~90%)^[44];非生长季排放的 N_2O 较少,主要与土壤含水量低、温度较低、微生物活性较低有关,同时冬季表层土壤冰

表 1 不同研究中 N_2O 排放通量和排放量
Table 1 N_2O emission fluxes and emissions in different studies

生境类型	植被类型	土壤类型	观测时间	年排放量 /($\text{kg}\cdot\text{hm}^{-2}$)	生长季排放量 占全年比重/%	排放通量 /($\mu\text{g}\cdot\text{m}^{-2}\cdot\text{h}^{-1}$)	参考文献
荒漠	藻类	结皮土	全年	-0.19	—	-2.12(均值)	[10]
	藻类	结皮土	季节性	—	—	-18.5~9.8	[33]
	苔藓	结皮土	全年	-3.87	—	-4.42(均值)	[10]
	苔藓	结皮土	季节性	—	—	-15.5~4.5	[33]
	混生	结皮土	全年	-0.27	—	-3.12(均值)	[10]
	草本	砂质土	全年	0.13	—	0~3.46	[32]
	牧草	砂质土	全年	0.13	43	1.49(均值)	[30]
	稀疏灌木, 草本	砂质土	夏季	—	—	0~8	[11]
干旱草原	草本	砂质土	全年	0.22	53	-0.7~10.3	[34]
	草本	砂质土	生长季	—	—	8.58(均值)	[35]
半干旱草地	草本	砂质土	生长季	—	—	-0.14~46.62	[36]
	草本	细壤土	生长季	—	—	0~400	[37]
半干旱草原	草本	盐碱土	生长季	13.1	90	18.7(均值)	[38]
	牧草	砂质土	生长季	—	—	19.8(均值)	[29]
	草本	砂质土	生长季	—	—	-0.34~0.12	[39]
	草本	砂质土	生长季	—	—	2.8~3.9	[40]
	草本	砂质土	生长季	—	—	3.4~12	[41]
	苔藓	结皮土	生长季	—	—	-0.42~0.84	[42]
	草本	砂质土	生长季	—	—	4(均值)	[43]

“—”代表无相关数据。

冻或者被积雪覆盖导致 N_2O 无法向大气扩散, 故 N_2O 排放减少^[10]。

2 荒漠土壤环境对 N_2O 排放的影响机制

2.1 土壤有机碳

土壤有机碳是影响异养硝化细菌和反硝化细菌活性的重要因素^[14]。荒漠土壤有机碳的主要来源为植物凋落物分解、根系分泌和微生物分泌、死亡残体释放^[45]。自然降水后, 雨水促进植物和生物结皮生长, 有利于植物根系、生物结皮对土壤有机碳的输入; 同时, 土壤水势增加使得微生物承受较高的渗透压力, 其中一部分微生物死亡释放出有机物质, 另一部分通过释放大量易分解含碳化合物(包括小分子含碳化合物和可溶性碳)来适应迅速增加的土壤水势。有机碳可为微生物提供重要碳

源^[16], 有机碳供给增加一方面可加快微生物繁殖, 消耗氧气从而形成厌氧环境促进反硝化作用发生, 另一方面有机碳作为能量来源, 促进微生物新陈代谢和物质循环, 同时也为反硝化细菌提供电子从而促进反硝化作用^[46]。

2.2 土壤 NO_3^- -N 和 NH_4^+ -N 含量

土壤中 NH_4^+ -N 和 NO_3^- -N 是硝化细菌和反硝化细菌利用的底物, 二者在土壤中的含量是影响 N_2O 排放的关键因素^[14]。有研究表明, 土壤中 NH_4^+ -N 和 NO_3^- -N 含量增加将显著促进 N_2O 的排放, 使 N_2O 年排放量增加 55%~133%^[30]; 同样, 高有机氮含量(通过矿化作用将其转化为无机氮)也会促进 N_2O 排放^[15]。但是在半干旱草原的模拟实验表明土壤氮含量增加对 N_2O 排放的促进作用有限, 施加氮肥 (NH_4NO_3) 会增加土壤 N_2O 排放量(与不施肥相比约增加 30%); 土壤 NO_3^- -N 和 NH_4^+ -N 含量的增加对

N_2O 排放的促进作用弱于预期,这在很大程度上由植物-微生物对氮素的竞争所致,植物吸收了大部分的氮素^[1]。

2.3 土壤pH

土壤pH是影响硝化作用和反硝化作用的重要因素,进而也影响土壤 N_2O 排放。当土壤pH为5.6~8.0时,硝化速率随pH的升高而增大。当土壤pH从4.7增加到6.5时,硝化速率增加可达3~5倍^[47],此时 N_2O 主要由硝化作用产生;当土壤pH较低时, N_2O 成为反硝化作用的主要产物,其原因是低pH能抑制 N_2O 还原酶的活性,从而增大 N_2O 在反硝化产物中的比例。

pH影响参与氮转化的相关过程,如反硝化、自养和异养硝化,这些生物过程都与 N_2O 的产生有关^[48]。有研究指出,增加土壤pH促进 N_2O 向 N_2 的转化,整体表现为低 N_2O 排放^[15],主要原因在于pH影响细菌和真菌活性,大多数最适宜反硝化微生物生长的pH为6.0~8.0的中性环境,在pH较高或较低时反硝化作用速率较低^[49-50]。同时,pH也会通过调控AOA和AOB的群落结构影响 N_2O 通量,例如AOB在中性、碱性土壤中占主导,而AOA在酸性土壤中占主导^[51]。

2.4 土壤 O_2 含量

土壤 O_2 含量是影响土壤 N_2O 排放的重要因素,参与硝化作用和反硝化作用的微生物对 O_2 含量有一定的需求。硝化作用是严格的好氧过程,硝化微生物及相关酶类必须在有氧条件下才能正常进行硝化作用,随土壤 O_2 含量降低,可增加硝化作用产物中 N_2O 的比例^[52];相反,反硝化作用则是厌氧过程,仅在低氧或无氧的条件下发生, O_2 含量主要通过影响与反硝化作用相关的酶活性,进而影响 N_2O 生成速率及其在反硝化产物中的比例。研究表明,当土壤中的 O_2 含量低于 $5\text{ mL}\cdot\text{L}^{-1}$ 时反硝化微生物的活性显著增加^[53],且反硝化微生物对 O_2 含量的耐受范围较广,可在不同 O_2 含量下产生 N_2O ^[54]。

2.5 土壤质地

土壤中不同粒径组成造成土壤通透性差异较大,这对硝化作用和反硝化作用以及 N_2O 扩散速率均有重要影响^[55],同时不同粒径土壤团聚体中养分差异对 N_2O 产生也有重要影响^[56]。荒漠区土壤砂粒

含量普遍较高,但在不同生境斑块(如隐花植物、草本和灌木)中砂粒含量有所不同,其中流沙中砂粒含量最高、黏粒含量最低^[10,29,57]。相关研究表明,黏粒含量高的土壤 N_2O 排放量较高,这主要与黏粒含量高的土壤保水能力强、孔隙度低以及 O_2 含量低,有利于反硝化作用有关^[55]。此外,不同粒径土壤团聚体对 N_2O 的生成也有不同影响^[56],并且 N_2O 排放量的研究结果存在差异^[58-59],这主要与不同粒径的土壤团聚体在通透性、营养物质含量和微生物分布等方面不同有关^[60]。

2.6 植被和土壤结皮类型

荒漠区植被具有明显的斑块性,其主要类型包括:一是由草本和灌木组成的植被类型;二是生物土壤结皮斑块,主要由地衣、苔藓、藻类等和土壤微生物组成,其特征是存在透水性弱的土壤表层。在荒漠区中一些豆科植物,如柠条(*Caragana korshinskii*)、花棒(*Hedysarum scoparium*)等及微生物(固氮蓝藻)本身具有固氮功能,为土壤贡献了显著的氮^[61],这对 N_2O 排放也有重要影响。研究表明,灌木土壤,如矮梭梭属(*Hammada* sp.)、附药蓬属(*Noaea* sp.)和刺地榆属(*Sarcopoterium* sp.)的 N_2O 排放量大于混生结皮土壤(由藻类和苔藓组成)^[61]。

有关不同类型生物土壤结皮的研究表明,藓类结皮、藻类结皮和混生结皮均表现为 N_2O 负通量,即 N_2O 净吸收,吸收量的大小为藓类结皮>混生结皮>藻类结皮^[10]。也有研究发现,藻类结皮和藓类结皮生长季(4—10月)的吸收通量显著高于非生长季^[33]。藓类结皮更易产生相对厌氧环境,促进了反硝化作用产生 N_2O ,同时也阻止了 N_2O 通过扩散从土壤进入大气,将 N_2O 转化为 N_2 ,因此整体表现为 N_2O 净吸收^[10]。养分更为贫瘠的风沙土却表现为 N_2O 净排放,即使在土壤最干燥的时期 N_2O 也会排放到大气中^[17]。

综上,较高的有机碳含量可为细菌和真菌提供充足的能量来源;较高的有机氮含量会提升微生物的氮矿化速率,促进 NH_4^+-N 积累和硝化作用;较高的 NO_3^--N 含量和厌氧环境促进反硝化作用,导致 N_2O 排放通量升高;土壤质地和不同粒径土壤团聚体在营养物质含量、 O_2 含量以及通气性等方面的差异,也会导致 N_2O 排放差异。因此,在 N_2O 排放的相关研究中须首先考虑研究区域的土壤性质。

3 降水对荒漠土壤 N_2O 排放的驱动作用

3.1 降水量对 N_2O 排放的影响

目前,有关降水变化如何影响土壤 N_2O 排放通量的研究大多聚焦于农田和森林生态系统^[62-64]。研究表明,模拟增加降水的试验处理会刺激土壤排放 N_2O ^[65]。也有学者持相反的观点,认为增加降水不会改变 N_2O 排放^[66],这主要取决于降水是否为该生态系统产生 N_2O 的限制因子,如果降水是产生 N_2O 的限制因子,增加降水会促使 N_2O 排放;反之,则不会显著影响 N_2O 排放。在新疆古尔班通古特荒漠草原的研究表明,增加降水(5 mm)未观察到 N_2O 排放量的显著变化^[30]。但也有研究表明,通过模拟增加降水可以增加或减少 N_2O 通量^[31,67-68]。荒漠土壤对降水响应不显著的原因可能是:一方面由于高温和较高的蒸散率,非有效降水对荒漠土壤水分影响的持续时间较短^[32],并且土壤短暂的湿润过程无法保证微生物具有较高碳氮矿化的活性,营养物质积累较少;另一方面,自然降水后土壤水分渗透压的快速变化使得微生物死亡,导致参与 N_2O 产生途径的微生物数目减少;土壤水分降低促进硝化作用与抑制反硝化作用相抵消^[69]。

3.2 降水频率对 N_2O 排放的影响

水分是荒漠生态系统不同时空尺度各种生物过程的重要驱动因子。降水作为主要的水分来源,由于其间断性和不可预知性,导致土壤水分与养分等关键资源的获得也呈不连续的脉冲状态^[70]。不同频率的降水脉冲导致土壤经历干湿循环,当土壤干燥且含水量降低时,碳氮可利用性和微生物活性较低,营养物质周转受到限制, N_2O 排放处于较低水平;土壤复湿后,碳氮可利用性和微生物活性较高,并激发土壤生物化学过程,并促进 N_2O 排放^[36,71]。土壤湿度增加形成的厌氧条件也促进了反硝化作用产生 N_2O 。同样,土壤频繁地经历干旱和湿润过程,也使硝化作用和反硝化作用交替进行,从而促进了 N_2O 的产生和氮矿化(硝态氮和铵态氮的积累)^[44,72]。室内培养实验结果表明,不同降水频率(8天/18天)处理与恒湿处理相比,能够显著激发土壤 N_2O 排放,排放量平均增加15倍^[72],主要原因是干湿交替增加了微生物的死亡并促进土壤释放营

养物质,使得土壤中氮的矿化量增加^[73]。

4 温度变化对荒漠土壤 N_2O 排放的影响

温度对 N_2O 排放的影响有着广泛的微生物基础^[20,74]。研究表明,自养硝化和异养反硝化作用都是土壤 N_2O 排放的主要原因,二者都是温度敏感型过程^[75-80],由不同的微生物类群主导^[20,81]。干旱草地土壤中 AOB 或 AOA 的丰度随温度升高而发生变化^[82],这主要由细菌和真菌对温度的敏感性不同所导致。温度是控制与 N_2O 排放相关的微生物功能群体(主要是自养氨氧化菌和异养反硝化菌)的群落特征及其活动的重要因素^[83]。研究表明,温度可以直接或间接地影响土壤 N_2O 排放^[76]。温度变化不仅影响微生物的相对丰度和总生物量,也影响其生理过程,即使在微生物群落结构和组成没有发生变化的情况下,与产生和消耗 N_2O 相关基因的表达也可能发生改变;同时温度变化也会对反硝化酶动力学有直接的影响^[84]。研究发现,随温度升高, N_2O 排放呈现不同的变化趋势^[77-78,85]。但大多数研究均表明, N_2O 排放与土壤温度呈正相关,适宜的温度使得微生物具有较高的新陈代谢速率,加速物质循环。

5 参与生成 N_2O 的相关微生物及功能基因

5.1 参与生成 N_2O 的相关微生物

微生物作为生态系统的分解者,在氮循环过程中发挥着核心作用。AOA 和 AOB 是硝化作用的主要驱动者,二者也有着不同的生态位分化,AOA 在氮含量低、酸性土壤条件下发挥主要作用,而 AOB 则相反^[86]。参与反硝化的微生物广泛分布于古细菌、细菌和真菌中,而在酵母菌和放线菌中也有可参与反硝化作用的微生物类群^[86]。同时,也发现部分好氧反硝化细菌,如副球菌属(*Paracoccus* sp)和芽孢杆菌属(*Bacillus* sp)等^[87]。

有研究关注微生物生物量碳/氮与土壤 N_2O 排放的关系。结果表明:仅微生物生物量碳与土壤 N_2O 排放具有显著正相关关系^[88],但也有研究表明仅微生物生物量氮与土壤 N_2O 排放具有显著正相关关系^[89],这主要与营养物质含量是否有利于微生物代谢,使其更高效地参与物质循环有关。

5.2 参与生成 N_2O 相关功能基因

许多与氮循环相关的功能基因,包括 *amoA* (AOA 和 AOB)、*nirS*、*nirK*、*norB* 和 *nosZ*,是指示土壤 N_2O 排放的潜在有效指标^[69,84,90-91]。其中,*amoA* (AOA)和 *amoB* (AOB)基因编码蛋白为氨单加氧酶,主要参与土壤中的氨氧化过程^[91];*nirS*和 *nirK*基因编码的蛋白为硝酸还原酶,其参与了 NO_3^- 向 NO_2^- 的转换,是反硝化作用(以及 N_2O 生成)中的重要步骤^[92];*norB* 基因编码 NO 还原酶,该酶参与生成 N_2O ;*nosZ* 基因编码 N_2O 还原酶,其丰度是指示 N_2O 转化为 N_2 的有效指标。因此,在厌氧条件下 N_2O 排

放量减少与 *nosZ* 基因表达增加有关^[93]。

温度和土壤湿度变化会影响微生物群落特征(群落结构和丰度,以及与 N_2O 排放相关的功能基因)从而影响 N_2O 排放,而在不同土壤中 N_2O 排放的响应模式不同^[78-80,82,94-97]。例如,已被证明温度变化会改变草原^[78,97]、草甸^[94]、森林^[96]以及农田土壤^[95]中的 AOA 和 AOB 的群落结构,相关研究表明无论是在 *amoA* 基因丰度还是微生物群落结构方面,AOA 都与研究地点的土壤 N_2O 排放呈正相关^[83];同时,在实验处理条件(不同土壤湿度)下,AOA 在土壤 N_2O 排放中发挥了重要作用^[81,98]。各功能基因参与荒漠土壤 N_2O 形成过程如图1所示。

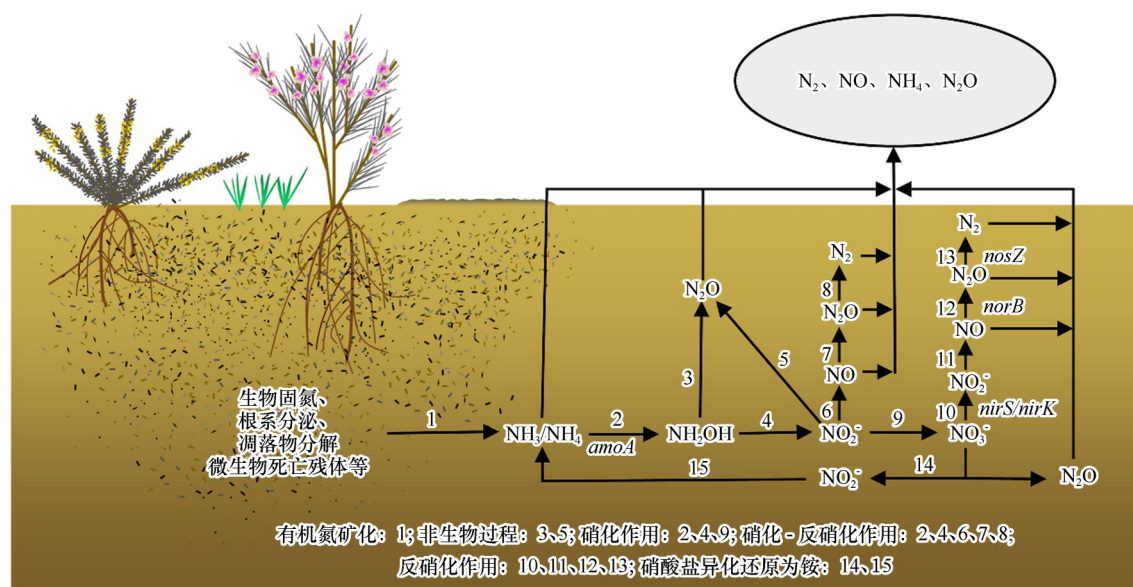


图1 N_2O 形成途径及相关功能基因

Fig.1 Nitrous oxide formation pathway and related functional genes

6 土壤 N_2O 排放模型及其在荒漠区的应用

利用模型模拟 N_2O 排放能较全面地掌握和预测其排放量,但在应用前需进行实验验证。目前,有关模拟 N_2O 排放的模型多应用于农田生态系统,相关模型有 DNDC (Denitrification-decomposition model) 模型、Ecosys (Ecosystem model) 模型和 WNMM (Water and nitrogen management model) 模型^[99];其中,DNDC 模型应用最为广泛,其需要的参数类型主要包括气象数据、土壤性质、植被类型和农田管理措施4个方面^[100],由于荒漠土壤植被稀疏也无土壤管理措施,单独利用 DNDC 模型不适用于模拟荒漠土壤 N_2O 排放;相对而言 WNMM 模型主要用于

干旱半干旱气候条件下农田土壤的 N_2O 排放模拟,更适合于模拟荒漠土壤 N_2O 排放,该模型需参数类型也主要包括气象数据、土壤性质、植被类型等,但着重关注水肥管理的影响^[101]。由于荒漠地区植被类型单一并无人工水肥管理等,因此仅采用 WNMM 模型具有较多不确定因素。目前已有研究采用 DNDC 模型模拟荒漠区温室气体排放,发现该模型误差平均在 20% 以内^[102],因此在模型选用时可采取多模型结合(如 DNDC 模型+WNMM 模型)和实验数据进行验证,以提高模型模拟的准确性。

7 结论与展望

目前,有关土壤 N_2O 排放及驱动因素取得的主要结论:①温度和降水通过影响微生物活性和土壤

碳氮可利用性等来影响土壤 N_2O 排放;②降水后,土壤微生物参与的硝化/反硝化作用是 N_2O 排放的主要途径,与土壤干旱时相比出现 N_2O 排放高峰;③土壤性质会影响 N_2O 排放,如土壤硝态氮、铵态氮含量和土壤有机质含量以及pH等;④结皮土具有透水性弱的土壤表层,不利于 N_2O 向大气扩散,多表现为 N_2O 负排放。

基于以上有关 N_2O 排放及驱动因素的总结,结合当前国内外研究重点及新技术的应用(分子生物学、同位素示踪技术以及模型构建等)对 N_2O 排放及驱动因素的研究方向和研究内容提出如下展望:①现有研究多聚焦于1种或2种环境因子对 N_2O 排放的影响,今后需考虑多种因子(温度、降水、氮沉降和放牧等)协同作用对 N_2O 排放的影响,同时需增加研究时间尺度,充分掌握长时间尺度下荒漠土壤 N_2O 排放以及对多种环境因子变化的响应规律。②基于同位素示踪技术,区分 N_2O 产生的微生物途径以及各过程所占比重。今后需重点测定 $\delta^{15}\text{N}^{\text{sp}}$ 等 N_2O 同位素特征值分馏效应,利用组合同位素特征值对 N_2O 进行全面的溯源研究。③基于分子生物学技术探究AOA和AOB生物群落以及相关功能基因(*amoA* (AOA和AOB)、*nirS*、*nirK*、*norB*和*nosZ*等)对 N_2O 产生和消耗的影响。④完善WNMM和DNDC模型,利用模型模拟荒漠土壤 N_2O 排放规律,用于准确评估其对环境变化的响应。基于野外原位研究和室内培养实验,很难实现基于中国乃至全球尺度模拟荒漠土壤 N_2O 排放模式,因此急需建立和完善模型解决此难题。总而言之,荒漠土壤 N_2O 排放规律是一个重要且有待深入研究的课题,随着技术推进和方法更新,更加深入地解析其内在机制,从而为控制全球变暖及温室气体排放提供部分理论依据。

参考文献:

- [1] Shi Y J, Wang J F, Ao Y N, et al. Responses of soil N_2O emissions and their abiotic and biotic drivers to altered rainfall regimes and co-occurring wet N deposition in a semi-arid grassland[J]. *Global Change Biology*, 2021, 27(19): 4894–4908.
- [2] Ravishankara A R, Daniel J S, Portmann R W. Nitrous oxide (N_2O): the dominant ozone-depleting substance emitted in the 21st century[J]. *Science*, 2009, 326(5949): 123–125.
- [3] Banerjee S, Helgason B, Wang L F, et al. Legacy effects of soil moisture on microbial community structure and N_2O emissions[J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2016, 95: 40–50.
- [4] Krichels A, DeLucia E H, Sanford R, et al. Historical soil drainage mediates the response of soil greenhouse gas emissions to intense precipitation events[J]. *Biogeochemistry*, 2019, 142(3): 425–442.
- [5] Seneviratne S I, Luthi D, Litschi M, et al. Land-atmosphere coupling and climate change in Europe[J]. *Nature*, 2006, 443(7108): 205–209.
- [6] De Graaff M A, Six J, Harris D, et al. Decomposition of soil and plant carbon from pasture systems after 9 years of exposure to elevated CO_2 : impact on C cycling and modeling[J]. *Global Change Biology*, 2004, 10(11): 1922–1935.
- [7] Huygens D, Schoupe J, Roobroeck D, et al. Drying-rewetting effects on N cycling in grassland soils of varying microbial community composition and management intensity in south central Chile[J]. *Applied Soil Ecology*, 2011, 48(3): 270–279.
- [8] Masson-Delmotte V, Zhai P, Pirani A, et al. IPCC, Climate Change 2021: The Physical Science Basis. Contribution of Working Group I to the Sixth Assessment Report of the Intergovernmental Panel on Climate Change[M]. Cambridge, UK: Cambridge University Press, 2021.
- [9] AghaKouchak A, Cheng L Y, Mazdiyasn O, et al. Global warming and changes in risk of concurrent climate extremes: Insights from the 2014 California drought[J]. *Geophysical Research Letters*, 2014, 41(24): 8847–8852.
- [10] 徐冰鑫, 胡宜刚, 张志山, 等. 模拟增温对荒漠生物土壤结皮-土壤系统 CO_2 、 CH_4 和 N_2O 通量的影响[J]. *植物生态学报*, 2014, 38(8): 809–820.
- [11] Yue P, Zuo X A, Li K H, et al. The driving effect of nitrogen-related functional microorganisms under water and nitrogen addition on N_2O emission in a temperate desert[J]. *Science of the Total Environment*, 2021, 772(3): 145470.
- [12] Prieme A, Christensen S. Natural perturbations, drying-wetting and freezing-thawing cycles, and the emission of nitrous oxide, carbon dioxide and methane from farmed organic soils[J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2001, 33(15): 2083–2091.
- [13] Liu S W, Zheng Y J, Ma R Y, et al. Increased soil release of greenhouse gases shrinks terrestrial carbon uptake enhancement under warming[J]. *Global Change Biology*, 2020, 26(8): 4601–4613.
- [14] Aamer M, Shaaban M, Hassan M U, et al. Biochar mitigates the N_2O emissions from acidic soil by increasing the *nosZ* and *nirK* gene abundance and soil pH[J]. *Journal of Environmental Management*, 2020, 255: 109891.
- [15] Cheng Y, Zhang H M, Chen Z X, et al. Contrasting effects of different pH-raising materials on N_2O emissions in acidic upland soils[J]. *European Journal of Soil Science*, 2021, 72(1): 432–445.
- [16] Pinto R, Weigelhofer G, Pucher M, et al. Dry-wet cycles affect nitrous oxide emissions across aquatic-terrestrial interfaces: a mesocosms study[J]. *Frontiers in Soil Science*, 2022, 2.
- [17] Billings S A, Schaeffer S M, Evans R D. Trace N gas losses and N mineralization in Mojave desert soils exposed to elevated

- CO₂ [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2002, 34 (11): 1777–1784.
- [18] Tian H Q, Xu R T, Canadell J G, et al. A comprehensive quantification of global nitrous oxide sources and sinks [J]. *Nature*, 2020, 586 (7828): 248–256.
- [19] Clark I M, Buchkina N, Jhurrea D, et al. Impacts of nitrogen application rates on the activity and diversity of denitrifying bacteria in the broadbalk wheat experiment [J]. *Philosophical Transactions of the Royal Society B-Biological Sciences*, 2012, 367 (1593): 1235–1244.
- [20] Butterbach-Bahl K, Baggs E M, Dannenmann M, et al. Nitrous oxide emissions from soils: how well do we understand the processes and their controls? [J]. *Philosophical Transactions of the Royal Society B-Biological Sciences*, 2013, 368 (1621): 20130122.
- [21] Kuypers M M M, Marchant H K, Kartal B. The microbial nitrogen-cycling network [J]. *Nature Reviews Microbiology*, 2018, 16 (5): 263–276.
- [22] Stein L Y. The long-term relationship between microbial metabolism and greenhouse gases [J]. *Trends in Microbiology*, 2020, 28 (6): 500–511.
- [23] Levy-Booth D J, Prescott C E, Grayston S J. Microbial functional genes involved in nitrogen fixation, nitrification and denitrification in forest ecosystems [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2014, 75: 11–25.
- [24] Heil J, Vereecken H, Bruggemann N. A review of chemical reactions of nitrification intermediates and their role in nitrogen cycling and nitrogen trace gas formation in soil [J]. *European Journal of Soil Science*, 2016, 67 (1): 23–39.
- [25] Tiedje J M. Ecology of denitrification and dissimilatory nitrate reduction to ammonium [J]. *Environmental Microbiology of Anaerobes*, 1988, April: 179–244.
- [26] Zhu-Barker X, Cavazos A R, Ostrom N E, et al. The importance of abiotic reactions for nitrous oxide production [J]. *Biogeochemistry*, 2015, 126 (3): 251–267.
- [27] Huang Y, Long X E. Contribution of fungi to soil nitrous oxide emission and their research methods: a review [J]. *Chinese Journal of Applied Ecology*, 2014, 25 (4): 1213–1220.
- [28] Hudman R C, Moore N E, Mebust A K, et al. Steps towards a mechanistic model of global soil nitric oxide emissions: implementation and space based-constraints [J]. *Atmospheric Chemistry and Physics*, 2012, 12 (16): 7779–7795.
- [29] Delon C, Galy-Lacaux C, Serca D, et al. Soil and vegetation-atmosphere exchange of NO, NH₃, and N₂O from field measurements in a semi arid grazed ecosystem in Senegal [J]. *Atmospheric Environment*, 2017, 156: 36–51.
- [30] Yue P, Cui X Q, Wu W C, et al. Are annual nitrous oxide fluxes sensitive to warming and increasing precipitation in the Gurbantunggut Desert? [J]. *Land Degradation & Development*, 2021, 32 (3): 1213–1223.
- [31] Liu X C, Dong Y S, Qi Y C, et al. Response of N₂O emission to water and nitrogen addition in temperate typical steppe soil in Inner Mongolia, China [J]. *Soil & Tillage Research*, 2015, 151: 9–17.
- [32] Yue P, Cui X Q, Gong Y M, et al. Fluxes of N₂O, CH₄ and soil respiration as affected by water and nitrogen addition in a temperate desert [J]. *Geoderma*, 2019, 337: 770–772.
- [33] Hu Y, Xu B, Wang Y, et al. Reference for different sensitivities of greenhouse gases effluxes to warming climate among types of desert biological soil crust [J]. *Science of the Total Environment*, 2022, 830: 154805.
- [34] Wang Z W, Hao X Y, Shan D, et al. Influence of increasing temperature and nitrogen input on greenhouse gas emissions from a desert steppe soil in Inner Mongolia [J]. *Soil Science and Plant Nutrition*, 2011, 57 (4): 508–518.
- [35] Guilbault M R, Matthias A D. Emissions of N₂O from Sonoran desert and effluent-irrigated grass ecosystems [J]. *Journal of Arid Environments*, 1998, 38 (1): 87–98.
- [36] Leitner S, Homyak P M, Blankinship J C, et al. Linking NO and N₂O emission pulses with the mobilization of mineral and organic N upon rewetting dry soils [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2017, 115: 461–466.
- [37] Norton U, Mosier A R, Morgan J A, et al. Moisture pulses, trace gas emissions and soil C and N in cheatgrass and native grass-dominated sagebrush-steppe in Wyoming, USA [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2008, 40 (6): 1421–1431.
- [38] 徐万玲. 氮沉降、放牧和极端降水对羊草草地 N₂O 排放的影响机制研究 [D]. 长春: 东北师范大学, 2021.
- [39] Dijkstra F A, Morgan J A, Follett R F, et al. Climate change reduces the net sink of CH₄ and N₂O in a semiarid grassland [J]. *Global Change Biology*, 2013, 19 (6): 1816–1826.
- [40] Bork E W, Attacian B, Cahill A E, et al. Soil nitrogen and greenhouse gas dynamics in a temperate grassland under experimental warming and defoliation [J]. *Soil Science Society of America Journal*, 2019, 83 (3): 780–790.
- [41] Li L F, Fan W Y, Kang X M, et al. Responses of greenhouse gas fluxes to climate extremes in a semiarid grassland [J]. *Atmospheric Environment*, 2016, 142: 32–42.
- [42] Lafuente A, Duran J, Delgado-Baquerizo M, et al. Biocrusts modulate responses of nitrous oxide and methane soil fluxes to simulated climate change in a mediterranean dryland [J]. *Ecosystems*, 2020, 23 (8): 1690–1701.
- [43] Chen W W, Zheng X H, Chen Q, et al. Effects of increasing precipitation and nitrogen deposition on CH₄ and N₂O fluxes and ecosystem respiration in a degraded steppe in Inner Mongolia, China [J]. *Geoderma*, 2013, 192: 335–340.
- [44] Yemadje P L, Chevallier T, Guibert H, et al. Wet-drying cycles do not increase organic carbon and nitrogen mineralization in soils with straw amendment [J]. *Geoderma*, 2017, 304: 68–75.
- [45] Wang B, Huang Y, Li N, et al. Initial soil formation by biocrusts: nitrogen demand and clay protection control microbial

- necromass accrual and recycling[J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2022, 167: 108607.
- [46] Huang R, Wang Y Y, Liu J, et al. Variation in N_2O emission and N_2O related microbial functional genes in straw-and biochar-amended and non-amended soils [J]. *Applied Soil Ecology*, 2019, 137: 57–68.
- [47] Deklein C A M, Vanlogtestijn R S P. Denitrification in the top-soil of managed grasslands in the netherlands in relation to soil type and fertilizer level [J]. *Plant and Soil*, 1994, 163 (1) : 33–44.
- [48] Zhang J B, Muller C, Cai Z C. Heterotrophic nitrification of organic N and its contribution to nitrous oxide emissions in soils [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2015, 84: 199–209.
- [49] Cuhel J, Simek M, Laughlin R J, et al. Insights into the effect of soil pH on N_2O and N_2 emissions and denitrifier community size and activity [J]. *Applied and Environmental Microbiology*, 2010, 76(6) : 1870–1878.
- [50] Paul E A, Clark F E. *Soil Microbiology and Biochemistry* [M]. Pittsburgh, USA: academic Press, 1989: 147–163.
- [51] Yao H Y, Campbell C D, Chapman S J, et al. Multi-factorial drivers of ammonia oxidizer communities: evidence from a national soil survey [J]. *Environmental Microbiology*, 2013, 15 (9): 2545–2556.
- [52] Anderson I C, Poth M, Homstead J, et al. A comparison of NO and N_2O production by the autotrophic nitrifier *Nitrosomonas-europaea* and the heterotrophic nitrifier *Alcaligenes-faecalis* [J]. *Applied and Environmental Microbiology*, 1993, 59 (11) : 3525–3533.
- [53] Ye R W, Averill B A, Tiedje J M. Denitrification: production and consumption of nitric oxide [J]. *Applied & Environmental Microbiology*, 1994, 60(4) : 1053–1058.
- [54] Zhu X, Burger M, Doane T A, et al. Ammonia oxidation pathways and nitrifier denitrification are significant sources of N_2O and NO under low oxygen availability [J]. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 2013, 110(16) : 6328–6333.
- [55] 彭世彰, 杨士红, 丁加丽, 等. 农田土壤 N_2O 排放的主要影响因素及减排措施研究进展 [J]. *河海大学学报(自然科学版)*, 2009, 37(1) : 1–6.
- [56] Austin A T, Yahdjian L, Stark J M, et al. Water pulses and biogeochemical cycles in arid and semiarid ecosystems [J]. *Oecologia*, 2004, 141(2) : 221–235.
- [57] Cantarel A A M, Bloor J M G, Pommier T, et al. Four years of experimental climate change modifies the microbial drivers of N_2O fluxes in an upland grassland ecosystem [J]. *Global Change Biology*, 2012, 18(8) : 2520–2531.
- [58] Khalil K, Renault P, Mary B. Effects of transient anaerobic conditions in the presence of acetylene on subsequent aerobic respiration and N_2O emission by soil aggregates [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2005, 37(7) : 1333–1342.
- [59] Wang B, Brewer P E, Shugart H H, et al. Soil aggregates as biogeochemical reactors and implications for soil-atmosphere exchange of greenhouse gases: a concept [J]. *Global Change Biology*, 2019, 25(2) : 373–385.
- [60] Sey B K, Manceur A M, Whalen J K, et al. Small-scale heterogeneity in carbon dioxide, nitrous oxide and methane production from aggregates of a cultivated sandy-loam soil [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2008, 40(9) : 2468–2473.
- [61] Zaady E, Groffman P M, Standing D, et al. High N_2O emissions in dry ecosystems [J]. *European Journal of Soil Biology*, 2013, 59: 1–7.
- [62] Reay D S, Davidson E A, Smith K A, et al. Global agriculture and nitrous oxide emissions [J]. *Nature Climate Change*, 2012, 2 (6) : 410–416.
- [63] Kuang W, Gao X, Tenuta M, et al. A global meta-analysis of nitrous oxide emission from drip irrigated cropping system [J]. *Global Change Biology*, 2021, 27(14) : 1–13.
- [64] Gallarotti N, Barthel M, Verhoeven E, et al. In-depth analysis of N_2O fluxes in tropical forest soils of the Congo Basin combining isotope and functional gene analysis [J]. *ISME Journal*, 2021, 15(11) : 3357–3374.
- [65] Zhang H, Deng Q, Schadt C W, et al. Precipitation and nitrogen application stimulation soil nitrous oxide emission [J]. *Nutrient Cycling in Agroecosystems*, 2021, 120(7828) : 363–378.
- [66] Gao J Q, Duan M Y, Zhang X Y, et al. Effects of frequency and intensity of drying-rewetting cycles on *Hydrocotyle vulgaris* growth and greenhouse gas emissions from wetland microcosms [J]. *Catena*, 2018, 164(1) : 44–49.
- [67] Chen J, Xiao G L, Kuzyakov Y K, et al. Soil nitrogen transformation responses to seasonal precipitation changes are regulated by changes in functional microbial abundance in a subtropical forest [J]. *Biogeosciences*, 2017, 14(9) : 2513–2525.
- [68] Li J, Jin Y Q, Liu Y T, et al. Effects of precipitation exclusion on N_2O emissions in a savanna ecosystem in SW China [J]. *Atmospheric Environment*, 2018, 187: 1–8.
- [69] Chen Y L, Kou D, Li F, et al. Linkage of plant and abiotic properties to the abundance and activity of N-cycling microbial communities in Tibetan permafrost-affected regions [J]. *Plant and Soil*, 2019, 434(1/2) : 453–466.
- [70] Yang Y, Li T, Wang Y Q, et al. Negative effects of multiple global change factors on soil microbial diversity [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2021, 156: 108229.
- [71] Gao D C, Bai E, Li M H, et al. Responses of soil nitrogen and phosphorus cycling to drying and rewetting cycles: a meta-analysis [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2020, 148: 107896.
- [72] Beare M H, Gregorich E G, St-Georges P. Compaction effects on CO_2 and N_2O production during drying and rewetting of soil [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2009, 41(3) : 611–621.
- [73] Fierer N, Schimel J P. Effects of drying-rewetting frequency on soil carbon and nitrogen transformations [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2002, 34(6) : 777–787.
- [74] Braker G, Conrad R. Diversity, structure, and size of N_2O -pro-

- ducing microbial communities in soils: What matters for their functioning? [J]. *Advances in Applied Microbiology*, 2011, 75: 33–70.
- [75] Verstraete W, Focht D D. *Biochemical Ecology of Nitrification and Denitrification* [M]. Boston, MA, USA: Springer US, 1977: 135–214.
- [76] Smith K A. The potential for feedback effects induced by global warming on emissions of nitrous oxide by soils [J]. *Global Change Biology*, 1997, 3(4): 327–338.
- [77] Godde M, Conrad R. Immediate and adaptational temperature effects on nitric oxide production and nitrous oxide release from nitrification and denitrification in two soils [J]. *Biology and Fertility of Soils*, 1999, 30: 33–40.
- [78] Avrahami S, Bohannan B J M. N_2O emission rates in a California meadow soil are influenced by fertilizer level, soil moisture and the community structure of ammonia-oxidizing bacteria [J]. *Global Change Biology*, 2009, 15(3): 643–655.
- [79] Braker G, Schwarz J, Conrad R. Influence of temperature on the composition and activity of denitrifying soil communities [J]. *FEMS Microbiology Ecology*, 2010, 73(1): 134–148.
- [80] Cui P Y, Fan F L, Yin C, et al. Long-term organic and inorganic fertilization alters temperature sensitivity of potential N_2O emissions and associated microbes [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2016, 93: 131–141.
- [81] Hu H W, Chen D, He J Z. Microbial regulation of terrestrial nitrous oxide formation: understanding the biological pathways for prediction of emission rates [J]. *FEMS Microbiology Reviews*, 2015, 39(5): 729–749.
- [82] Horz H P, Barbrook A, Field C B, et al. Ammonia-oxidizing bacteria respond to multifactorial global change [J]. *Proceedings of the National Academy of Sciences of the United States of America*, 2004, 101(42): 15136–15141.
- [83] Yin C, Fan F L, Song A L, et al. The response patterns of community traits of N_2O emission-related functional guilds to temperature across different arable soils under inorganic fertilization [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2017, 108: 65–77.
- [84] Billings S A, Tiemann L K. Warming-induced enhancement of soil N_2O efflux linked to distinct response times of genes driving N_2O production and consumption [J]. *Biogeochemistry*, 2014, 119(1/3): 371–386.
- [85] Dobbie K E, Smith K A. The effects of temperature, water-filled pore space and land use on N_2O emissions from an imperfectly drained gleysol [J]. *European Journal of Soil Science*, 2001, 52(4): 667–673.
- [86] 方晶晶, 马传明, 刘存富. 反硝化细菌研究进展 [J]. *环境科学与技术*, 2010, 33(增刊1): 206–210.
- [87] 丁炜, 朱亮, 徐京. 好氧反硝化菌及其在生物处理与修复中的应用研究进展 [J]. *应用与环境生物学报*, 2011, 17(6): 923–929.
- [88] 张耀全, 马欣, 罗珠珠, 等. 苜蓿种植年限对土壤硝化潜势和氨氧化微生物丰度的影响 [J]. *干旱地区农业研究*, 2020, 38(5): 39–44.
- [89] 申颜, 孙建平, 罗玉坤, 等. 短期放牧对半干旱草地生态系统 CO_2 和 N_2O 排放的影响 [J]. *环境科学*, 2018, 39(11): 5237–5245.
- [90] Tang Y Q, Yu G R, Zhang X Y, et al. Environmental variables better explain changes in potential nitrification and denitrification activities than microbial properties in fertilized forest soils [J]. *Science of the Total Environment*, 2019, 647: 653–662.
- [91] Li S Q, Song L N, Gao X, et al. Microbial abundances predict methane and nitrous oxide fluxes from a windrow composting system [J]. *Frontiers in Microbiology*, 2017, 8: 1–15.
- [92] Zumft W G. Cell biology and molecular basis of denitrification [J]. *Microbiology and Molecular Biology Reviews*, 1997, 61(4): 533–616.
- [93] Zhong L, Zhou X Q, Wang Y F, et al. Mixed grazing and clipping is beneficial to ecosystem recovery but may increase potential N_2O emissions in a semi-arid grassland [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2017, 114: 42–51.
- [94] Avrahami S, Liesack W, Conrad R. Effects of temperature and fertilizer on activity and community structure of soil ammonia oxidizers [J]. *Environmental Microbiology*, 2003, 5(8): 691–705.
- [95] Tournai M, Freitag T E, Nicol G W, et al. Growth, activity and temperature responses of ammonia-oxidizing archaea and bacteria in soil microcosms [J]. *Environmental Microbiology*, 2008, 10(5): 1357–1364.
- [96] Szukics U, Abell G C J, Hodl V, et al. Nitrifiers and denitrifiers respond rapidly to changed moisture and increasing temperature in a pristine forest soil [J]. *FEMS Microbiology Ecology*, 2010, 72(3): 395–406.
- [97] Hu H W, Macdonald C A, Trivedi P, et al. Effects of climate warming and elevated CO_2 on autotrophic nitrification and nitrifiers in dryland ecosystems [J]. *Soil Biology & Biochemistry*, 2016, 92: 1–15.
- [98] Jung M Y, Well R, Min D, et al. Isotopic signatures of N_2O produced by ammonia-oxidizing archaea from soils [J]. *ISME Journal*, 2014, 8(5): 1115–1125.
- [99] Thomas A R C, Bond A J, Hiscock K M. A multi-criteria based review of models that predict environmental impacts of land use-change for perennial energy crops on water, carbon and nitrogen cycling [J]. *Global Change Biology Bioenergy*, 2013, 5(3): 227–242.
- [100] Li C S. Modeling trace gas emissions from agricultural ecosystems [J]. *Nutrient Cycling in Agroecosystems*, 2000, 58(1/3): 259–276.
- [101] Li Y, White R, Chen D L, et al. A spatially referenced water and nitrogen management model (WNMM) for (irrigated) intensive cropping systems in the North China Plain [J]. *Ecological Modelling*, 2007, 203(3/4): 395–423.
- [102] 李东丽. 基于DNDC模型的干旱区水稻田温室气体排放实验研究: 以乌鲁木齐市米东区为例 [D]. 乌鲁木齐: 新疆大学, 2021.

A review of research progress on nitrous oxide emissions from desert soil and its driving factors

Xin Chunming^{1,2}, He Mingzhu¹, Li Chengyi^{1,2}, Zhang Libin^{1,2}, Li Xinrong¹

(1. *Shapotou Desert Research and Experiment Station, Northwest Institute of Eco-Environment and Resources, Chinese Academy of Sciences, Lanzhou 730000, China*; 2. *University of Chinese Academy of Sciences, Beijing 100049, China*)

Abstract: Nitrous oxide (N_2O) has the characteristics of long lifespan, high warming potential and great damage to the ozone layer. Terrestrial ecosystem is the main source of N_2O . Global climate change lead to the change of temperature, rainfall and biological process in desert ecosystem, which will promote or inhibit N_2O emissions and further influence of the environment. Therefore, this paper summarized the latest domestic and foreign researches on soil N_2O emission in desert regions. We analyzed the production process and emission flux of N_2O in desert soil, and further reviewed the effect of environmental factors and soil biological and abiotic factors on desert soil N_2O emission. The soil N_2O emission in desert ecosystems, dominated by nitrification and denitrification, has seasonal characteristics (high emissions in growing season and low emissions or absorb N_2O in non-growing season). On the basis of the previous researches, some topics that need to be solved urgently in the research field about soil N_2O emission are prospected at the end of this paper. The ideas and pathways solve these problems as follows: firstly, isotope tracer method and molecular biological technique should be used to explore the effects of soil micro-organisms and its related functional genes on N_2O emissions and consumption in arid and semi-arid regions; secondly, investigate the patterns of N_2O emissions in desert soils under the interaction of multiple factors at different time scales (daily, monthly, seasonal and interannual); thirdly, refine the N_2O emission models in desert ecosystems and assess the impact of N_2O emission on environmental change.

Key words: desert ecosystems; climate change; nitrification/denitrification; emission flux; functional genes